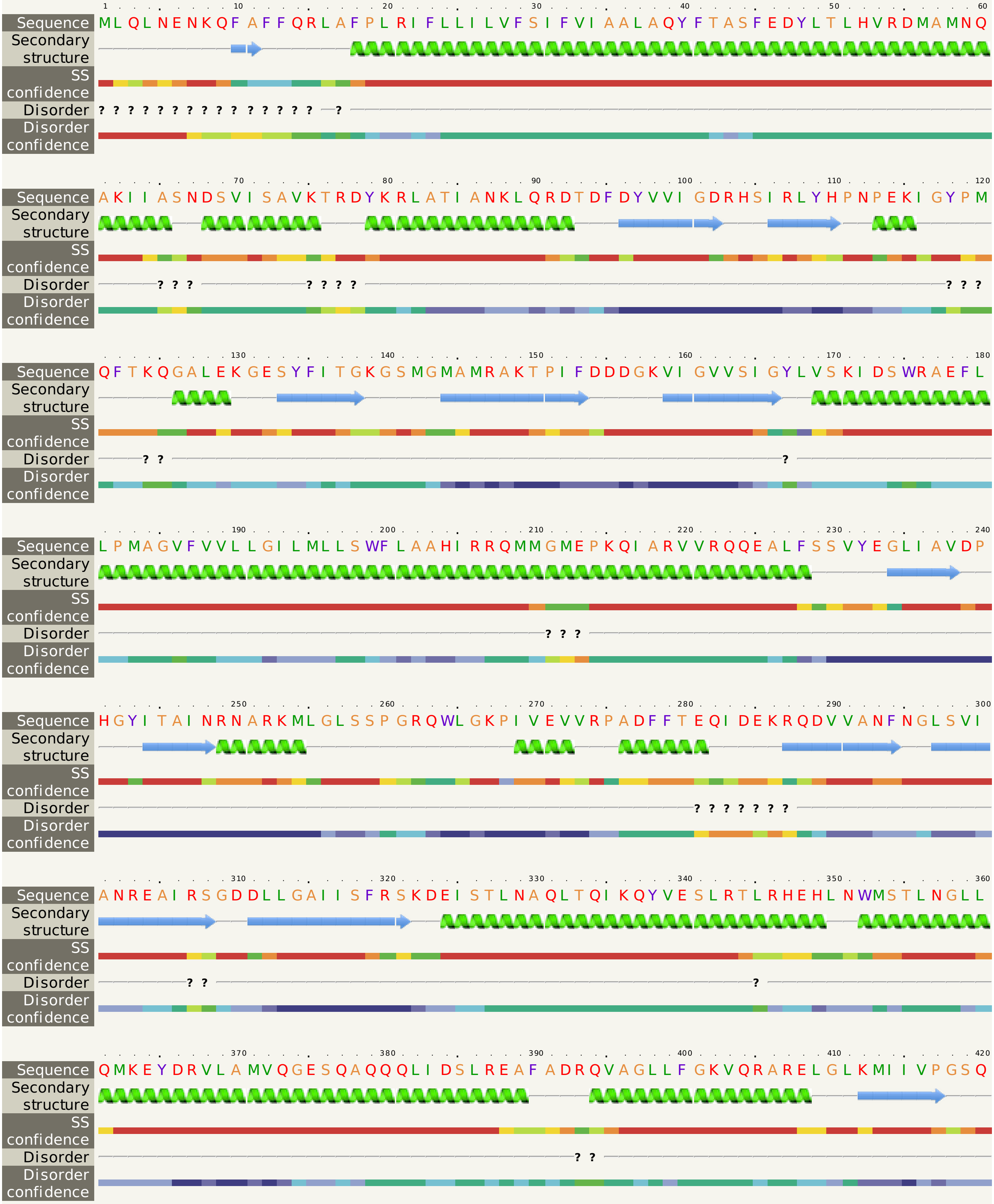
Phyre2

Email	l.a.kelley@imperial.ac.uk
Description	P77510
Date	Thu Jan 5 12:30:10 GMT 2012
Unique Job ID	b7bb9b09f3c5308c

Secondary structure and disorder prediction



1 … 10 … 20 … 30 … 40 … 50 … 60

Sequence MLQLNENKQFAFFQRLAFPLRIFLLILVFSIFVIAALAQYFTASFEDYLTLHVRDMAMNQ

Disorder ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ?

… 70 … 80 … 90 … 100 … 110 … 120

Sequence AKIIASNDSVISAVKTRDYKRLATIANKLQRDTDFDYVVIGDRHSIRLYHPNPEKIGYPM

Disorder ? ? ? ? ? ? ? ? ? ?

… 130 … 140 … 150 … 160 … 170 … 180

Sequence QFTKQGALEKGESYFITGKGSMGMAMRAKTPIFDDDGKVIGVVSIGYLVSKIDSWRAEFL

Disorder ? ? ?

… 190 … 200 … 210 … 220 … 230 … 240

Sequence LPMAGVFVVLLGILMLLSWFLAAHIRRQMMGMEPKQIARVVRQQEALFSSVYEGLIAVDP

Disorder ? ? ?

… 250 … 260 … 270 … 280 … 290 … 300

Sequence HGYITAINRNARKMLGLSSPGRQWLGKPIVEVVRPADFFTEQIDEKRQDVVANFNGLSVI

Disorder ? ? ? ? ? ? ?

… 310 … 320 … 330 … 340 … 350 … 360

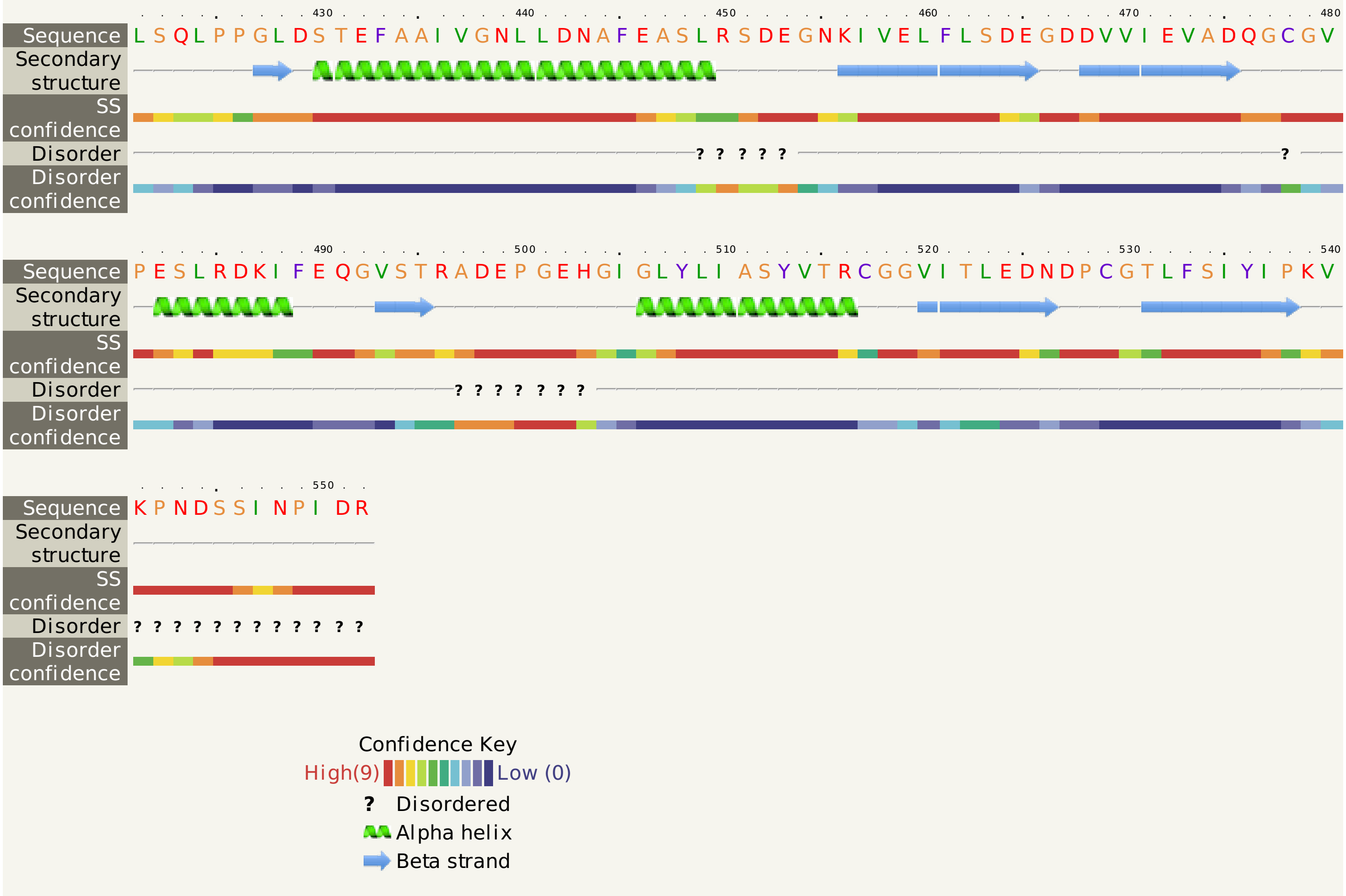
Sequence ANREAIRSGDDLLGAIISFRSKDEISTLNAQLTQIKQYVESLRTLRHEHLNWMSTLNGLL

Disorder ? ? ?

… 370 … 380 … 390 … 400 … 410 … 420

Sequence QMKEYDRVLAMVQGESQAQQQLIDSLREAFADRQVAGLLFGKVQRARELGLKMIIVPGSQ

Disorder ? ?


430
440
450
460
470
480
Sequence
Secondary structure
SS confidence
Disorder
Disorder confidence
LSQLPPGLDSTEFAAIVGNLLDNAFEASLRSDEGNKIVELFLSDEGDDVVIEVADQGCGV
? ? ? ? ?
?
490
500
510
520
530
540
PESLRDKIFEQGVSTRADEPGEHGIGLYLIASYVTRCGGVITLEDNDPCGTLFSIYIPKV
? ? ? ? ? ? ?
550
KPNDSSINPIDR
? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ?
Confidence Key
High(9)
Low (0)
? Disordered
Alpha helix
Beta strand